Analyserapport – Blødersykdom P2RY12/P2Y12

BioBank Dyre-ID: 452541

Navn:	**Charme av Bjerkhaug**	Rase:	**Grosser Schweizer Sennenhund**
Kjønn:	**Hunn**	Født:	**26.04.2008**
Chipnr:	**578077000035055**	Reg.nr:	**14144/08**
Far:		Reg.nr far:	
Mor:		Reg.nr mor:	
Prøvemateriale:	Svaberprøve		
Prøve-ID/ Biomat:	726171	Analysedato:	**06.04.2016**

Analyseresultat:

P2RY12	VR - Normal	☒	Dyret har ikke arvet defekten fra noen av sine foreldre. 'Normal' vil si at hunden er fri for defekten ved at den har to friske genvarianter (alleler). Hunden kan brukes i avl og vil ikke spre sykdommen til sine avkom. Hunden vil heller ikke bli syk selv.
P2RY12	DR - Bærer	☐	Dyret er bærer og har arvet defekten fra én av sine foreldre. 'Bærer' vil si at hunden har én sunn og én defekt genvariant. Dersom denne hunden brukes i avl vil halvparten av dens avkom få den defekte genvarianten og slik arves sykdommen videre, mens hunden selv ikke vil bli syk. Bærere kan altså spre mutasjon og derfor er det viktig å identifisere bærere på riktig måte for å begrense videre spredning.
P2RY12	LY - Affisert	☐	Dyret er bærer, uttrykker selv defekten og kan utvikle blødersykdom. 'Affisert' vil si at begge hundens genvarianter er defekte. Dersom denne hunden brukes i avl vil alle dens avkom motta den defekte genvarianten. Hunden selv vil også kunne utvikle blødersykdommen, og det bør tas forholdsregler for eksempel ved kirurgiske inngrep. Husk å fortelle veterinæren om sykdommen før operasjoner eller andre inngrep!

Behandling: Ifølge tilgjengelig litteratur finnes det ingen behandling for denne sykdommen.

Kommentarer: Analysen er utført av underleverandør

Dato og signatur: 07.04.2016

Birgitte Narud

Birgitte Narud
BioBank AS